

Геномное секвенирование

2013
NGS

Всероссийская конференция NGS-2013

- Разработчики и поставщики аппаратуры
- Стратегии анализа данных масштабного секвенирования
- Примеры использования NGS для решения различных задач
- Сервисные компании

Состоится 16 мая 2013 года, начало в 10:00

Адрес: Москва, ул. Миклухо-Маклая 16/10, Институт биоорганической химии РАН, Большой зал.

Сайт: www.ngsconference.ru

9:00-10:00	Приветственный кофе	
10:00-11:20	Доклады разработчиков и поставщиков оборудования (новые возможности и цены)	
Полупроводниковое секвенирование сегодня и завтра	Павел Натальин Life Technologies	
Методы высокопроизводительного целевого обогащения участков ДНК для последующего NGS секвенирования.	Вадим Жерновков Хеликон	
Решения для секвенирования Roche: технология 454 и направленный отбор генов NimbleGen Sequence Capture	Мария Грачева ООО «Рош Диагностика Рус»	
NGS от Illumina	Илья Дёмин ООО «ИнтерЛабСервис»	
11:20-11:40	Кофе-брейк	
11:40-12:40	Стратегии анализа данных масштабного секвенирования для различных приложений.	
Центр обработки данных NGS: архитектура и программные решения	Сергей Науменко факультет биоинформатики и биоинженерии МГУ имени М.В. Ломоносова	
Анализ данных NGS секвенирования - это просто!	Игнат Колесниченко ООО «Бином»	
Особенности построения web-based сервисов для анализа NGS данных	Андрей Гаража ООО «Первый онкологический научно-консультационный центр»	

12:40-13:20	Обед	
13:20-15:00	Примеры использования NGS для решения различных задач - начало.	
Секвенирование нового поколения в геномике и метагеномике микроорганизмов	Николай Равин Центр "Биоинженерия" РАН	
Системный анализ бактерий и их сообществ на основе данных NGS	Дмитрий Алексеев лаб. Биоинформатики НИИ ФХМ	
Анализ таксономической структуры почвенной микробиоты с использованием высокопроизводительного секвенирования	Евгений Андронов ГНУ ВНИИ сельскохозяйственной микробиологии	
Использование NGS в анализе транскриптомов бактерий на примере микобактерий	Тимофей Скворцов ИБХ РАН	
Применение NGS для исследования репертуара адаптивного иммунитета	Дмитрий Чудаков ИБХ РАН	
15:00-15:20	Кофе-брейк	
15:20-17:00	Примеры использования NGS для решения различных задач - продолжение.	
Геномика и эпигеномика нейropsychических заболеваний	Евгений Рогаев ИОГен РАН	
Применение секвенирования экзона в клинической диагностике наследственных заболеваний	Петр Шаталов Московский НИИ Педиатрии и Детской хирургии МЗ РФ	
Транскриптомное профилирование для индивидуализированного назначения таргетных онкологических препаратов	Антон Буздин ООО «Первый онкологический научно-консультационный центр»	
Миниатюризация геномов растений на примере <i>Genlisea margaretae</i>	Мария Логачева факультет биоинформатики и биоинженерии МГУ имени М.В. Ломоносова	
Изучение геномики адаптации к пресной воде у трёхиглой колюшки с использованием методов NGS	Надежда Тереханова факультет биоинформатики и биоинженерии МГУ имени М.В. Ломоносова	
17:00-17:40	Доклады сервисных центров (продуктовые линейки, цены, сроки)	
Новые услуги в NGS и анализе результатов	Дмитрий Щербо Евроген	
NGS и высокопроизводительное генотипирование от компании Genotek	Валерий Ильинский Genotek	
17:40-18:00	Кофе-брейк	