

2017 NGS

ngsconference.ru

Начало регистрации: 9.00

Начало конференции: 10.00

18 мая

ПРОГРАММА КОНФЕРЕНЦИИ

ПРОДОЛЖИТЕЛЬНОСТЬ ДОКЛАДА - 15 МИНУТ, ВОПРОСЫ - 5 МИНУТ

Большой зал ИБХ РАН

10.00 - 11.00 Доклады разработчиков и поставщиков аппаратуры

Технология Ion Torrent для прецизионной геномики и медицины
Павел Натальин, Thermo Fisher Scientific

Новости продуктовой линейки Illumina
Валерий Харламов, ООО «Альбиоген»

Решение под ключ для NGS лаборатории от компании СкайДжин
Кермен Болаева, ООО «СкайДжин»

NGS на потоке: как облегчить жизнь лаборатории
Артем Богомолов, ООО «Компания Хеликон»

11.00 - 11.20  Кофе-брейк

11.20 - 12.20 Доклады разработчиков и поставщиков аппаратуры (продолжение)

Комплексное решение для направленного отбора генов
Ирина Карпова, ООО «Рош Диагностика Рус»

Таргетное секвенирование: кроссплатформенное решение
Марина Чухряева, ООО «Агентство Химэксперт»

Новые технологические решения для автоматизации этапов подготовки библиотек ДНК и РНК к высокопроизводительному секвенированию следующего поколения
Татьяна Тимошенко, ООО «ИнтерЛабСервис»

Генотипирование оп технологии KASP
Павел Соколов, ЗАО «АКРУС»

12.20 - 12.40  Кофе-брейк

12.40 - 14.00 Применение высокопроизводительного секвенирования в медицинской практике

Опыт применения NGS в диагностике синдрома удлиненного интервала QT у детей
Анастасия Козина, ООО «Генотек»

Анализ CNV-мутаций в таргетной NGS-панели для диагностики рака щитовидной железы
Валентина Якушина, ФГБНУ «Медико-генетический научный центр»

The analysis of circulating tumor cells and circulating tumor DNA as cancer biomarkers
Стефан Шрадер, Научное подразделение Agena Bioscience, Гамбург, Германия

Генетика в кардиологии: революция или эволюция?
Наталья Соничева, Международная генетическая лаборатория Health in Code, Испания

Автоматизированная валидация мутаций, выявленных NGS, секвенированием по Сэнгеру
Марина Орлова, ООО «Генотек»

2017 NGS

ngsconference.ru

Начало регистрации: 9.00

Начало конференции: 10.00

18 мая

ПРОГРАММА КОНФЕРЕНЦИИ

ПРОДОЛЖИТЕЛЬНОСТЬ ДОКЛАДА - 15 МИНУТ, ВОПРОСЫ - 5 МИНУТ

Большой зал ИБХ РАН

14.00 - 15.00  Обед

15.00 - 15.45 Секвенирование геномов прокариот и метагеномное секвенирование

Реконструкция этапов адаптации генома *Chlamydia psittaci* — возбудителя реактивного артрита

Екатерина Аксенова, ФГБУ «ФНИЦЭМ им. Н. Ф. Гамалеи» Минздрава России

NGS в анализе трансмиссивных штаммов *Burkholderia cepacia*, инфицирующих дыхательные пути больных муковисцидозом

Наталья Шарапова, ФГБУ «ФНИЦЭМ им. Н. Ф. Гамалеи» Минздрава России

Критерии «здорового» микробиома легких пациентов с муковисцидозом

Ольга Воронина, ФГБУ «ФНИЦЭМ им. Н. Ф. Гамалеи» Минздрава России

15.45 - 16.05  Кофе-брейк

16.05 - 17.05 Секвенирование геномов и транскриптомов эукариот, стратегии анализа данных масштабного секвенирования для различных приложений

Обзор генетических моделей, применяемых для интерпретации результатов исследований случай-контроль

Олег Борисов, ФГБУ «ФНКЦ физико-химической медицины» ФМБА России

Анализ состава многокомпонентных травяных чаев методом высокопроизводительного секвенирования последовательностей ITS1 и ITS2

Анна Сперанская, ЦНИИ Эпидемиологии Роспотребнадзора

Разрешение секвенирования нового поколения (NGS) для коллинга коротких мутаций

Дмитрий Борисевич, ООО «Генотек»

Программный пакет для автоматической интерпретации геномных состояний

Николай Кулемин, ФГБУ «ФНКЦ физико-химической медицины» ФМБА России

Малый зал ИБХ РАН

13.00 - 14.30 Круглый стол «Возможности использования клинико-диагностическими лабораториями изделий, не зарегистрированных как медицинские. Создание формата Laboratory Developed Tests (LDT) в России»

Семинарская технопарка ИБХ РАН

14.30 - 16.00 Круглый стол по технологическим вопросам NGS (для операторов, работающих на приборах NGS)