

ПРОГРАММА

НАЧАЛО РЕГИСТРАЦИИ В 9:00.

НАЧАЛО КОНФЕРЕНЦИИ В 10:00.

БОЛЬШОЙ ЗАЛ (А1) РНИМУ ИМ. Н.И. ПИРОГОВА

Доклады разработчиков и поставщиков аппаратуры

10:00 – 11:00

1. Обеспечение работы лаборатории молекулярно-генетического профиля в условиях западных санкций. Самвел Мелконян. Группа компаний «БиоЛайн».
2. NGS и точка: ваш вкусный эксперимент. Татьяна Буканова. SkyGen.
3. Современные генетические технологии: импортозамещение в новой реальности. Алексей Никитин. ООО «ТестГен».
4. Полностью отечественные решения для NGS. Павел Владыкин. Группа компаний «ДНК-Технология».
5. NovaSeq X — быстрее, выше, точнее. Светлана Буланенкова. ООО «Альбиоген».
6. Применение NGS-платформы DNBSEQ в медицине. Анастасия Капуста. Компания Хеликон.

11:00 – 11:15 ☕ Кофе-брейк

Секция Центров геномных исследований мирового уровня

11:15 – 12:45

7. Направления улучшения геномных редакторов. Дмитрий Карпов. ИМБ им. В.А. Энгельгардта РАН.
8. CRISPR/cas9 опосредованная модификация путей биосинтеза липополисахаридов у *E. coli* для получения продуцентов рекомбинантных белков со сниженным содержанием эндотоксинов. Павел Бобровский. ФНКЦ ФХМ им Ю.М. Лопухина.
9. Использование технологии 10X Genomics секвенирования РНК одиночных клеток для выяснения механизмов азооспермии у мышей с нокаутом циклин-зависимых киназ 8 и 19. Екатерина Варламова. ИБГ РАН.
10. Пример диагностической эффективности секвенирования экзома для пациента с синдромом Барттера 3 типа. Анастасия Буянова. РНИМУ им. Н.И. Пирогова.
11. E701 — первый российский стандарт генома человека. Дмитрий Коростин. РНИМУ им. Н.И. Пирогова.
12. Секторальная супрессия Т-клеточного иммунитета. Сергей Лукьянов. РНИМУ им. Н.И. Пирогова.

12:45 – 13:00 ☕ Кофе-брейк

Секция по проекту неонатального скрининга новорожденных «ЭКЗАМЕН» (Экзомный Клинически Значимый Анализ Мутаций Единичных Нуклеотидов)

13:00 – 14:00

13. Профилактика наследственной тугоухости с применением молекулярно-генетических методов. Илья Барков. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова.
14. Экзомное секвенирование как основа неонатального скрининга. Дмитрий Трофимов. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова.
15. Ключевые кейсы проекта ЭКЗАМЕН. Алина Докшукина. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова
16. Опыт получения Разрешения № 000001 по процедуре регистрации нерегистрируемых тест-систем: полноэкзомное секвенирование in-house. Елена Городнова. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова.

14:00 – 15:00 🍴 Обед / экскурсия в секвенный центр РНИМУ им. Н.И. Пирогова

БОЛЬШОЙ ЗАЛ (А1) РНИМУ ИМ. Н.И. ПИРОГОВА

Применение высокопроизводительного секвенирования в клинической практике

15:00 – 16:00

17. Опыт проведения потоковых полногеномных исследований. Максим Беленикин. Медико-генетическая компания Эвоген.
18. Точность определения микросателлитной нестабильности методом таргетного высокопроизводительного секвенирования. Валентина Якушина. ООО «Онкодиагностика Атлас».
19. Молекулярно-генетический профиль папиллярного рака щитовидной железы из высоких клеток. Нина Швед. Цифровая патоморфологическая лаборатория UNIM.
20. Изучение МСК мыши вектором на основе HIV-1 с помощью UMI на платформе Illumina. Дмитрий Карпенко. НМИЦ гематологии.

16:00 – 16:30 ☕ Кофе-брейк / экскурсия в секвенный центр РНИМУ им. Н.И. Пирогова

NGS в микробиологии

16:30 – 17:30

21. Гонококковый генетический остров в глобальной популяции *Neisseria gonorrhoeae*: генетическое разнообразие и ассоциация с устойчивостью к противомикробным препаратам. Дмитрий Кравцов. ИМБ им. В.А. Энгельгардта РАН.
22. Микробиологическое сообщество залов древнерусской живописи Государственной Третьяковской галереи. Александр Жгун. ФИЦ Биотехнологии РАН.
23. Многолетний эволюционный эксперимент на мицелиальном грибе *Podospora anserina*. Ольга Кудрявцева. МГУ им. М.В. Ломоносова.
24. Синтетические олигонуклеотиды — потенциальные терапевтические агенты и валидация новых мишеней *in vitro* и *in vivo*. Ольга Сергеева. АО «ГенТерра».

ЗАЛ ЗАСЕДАНИЙ УЧЁНОГО СОВЕТА (ЗУС) РНИМУ ИМ. Н.И. ПИРОГОВА

САТЕЛЛИТНЫЙ СИМПОЗИУМ компании Хеликон и MGI (BGI) *helicon*

14:00 – 16:00

1. Обзор готовых решений для всех этапов NGS исследования. Анастасия Капуста. Компания Хеликон.
2. Новые решения для высокопроизводительного секвенирования на платформе DNBSEQ. Роман Юнес. MGI Tech.
3. Особенности организации высокопроизводительного секвенирования в федеральных центрах в новых реалиях. Петр Шаталов. НМИЦ радиологии.
4. Автоматизация анализа и клинической интерпретации геномных данных для прецизионной онкологии. Алексей Горбачев. ООО «Институт геномного анализа».
5. Обновленное портфолио Компании Хеликон для пробоподготовки и проведения генетических исследований. Мария Пустоварова. Компания Хеликон.

Вместо ежегодного круглого стола «Laboratory Developed Tests (LDT) в России»

«Возможность использования изделий, не зарегистрированных как медицинские. Создание формата Laboratory Developed Tests (LDT) в России». Рассмотрение произошедшего за год, планы на следующий

будет сделан доклад:

Опыт получения Разрешения № 000001 по процедуре регистрации нерегистрируемых тест-систем: полноэкзомное секвенирование *in-house*. Елена Городнова. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова (см. расписание докладов выше)