

12-Я ВСЕРОССИЙСКАЯ НАУЧНО-ПРАКТИЧЕСКАЯ КОНФЕРЕНЦИЯ ЦЕНТРОВ ГЕНОМНЫХ ИССЛЕДОВАНИЙ МИРОВОГО УРОВНЯ

ГЕНОМНОЕ СЕКВЕНИРОВАНИЕ И РЕДАКТИРОВАНИЕ ПРОГРАММА

НАЧАЛО РЕГИСТРАЦИИ В 9:00. НАЧАЛО КОНФЕРЕНЦИИ В 10:00.

БОЛЬШОЙ ЗАЛ (А1) РНИМУ ИМ. Н.И. ПИРОГОВА

Доклады разработчиков и поставщиков аппаратуры

10:00 - 11:00

- NGS от Cygnus новый уровень точности. Анастасия Бейзер. ООО «Аламед»
- NGS для обнаружения низкочастотных мутаций. Поймай меня, если сможешь. Надежда Волгина. Диаэм
- Быстрое секвенирование для любой лаборатории обзор возможностей системы DNBSEQ-G-99. Александр Богун. ООО «Р-Ген производство»
- Успешный опыт применения секвенаторов MGI для экзомного и таргетного секвенирования. Анастасия Капуста. ООО Компания Хеликон
- Сравнительный анализ данных патологии кортекса надпочечника методами scFAST-seq (Seek One) и scRNA-seq (10x Genomics). Сергей Попов. SkyGen
- Сравнительный анализ платформ Illumina и Oxford Nanopore Technologies для изучения кишечной микробиоты мышей. К.М. Климина. ФНКЦ ФХМ им. Ю.М.Лопухина ФМБА России

11:00 – 11:15 У Кофе-брейк

Секция Центров геномных исследований мирового уровня

11:15 - 12:45

- Система хранения и обработки данных высокопроизводительного секвенирования. Николай Кулемин. ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина ФМБА России
- Перевод биоинформатических решений в NGS-лаборатории на сборку генома человека hg38. Юлия Василиадис. РНИМУ им. Н.И. Пирогова
- Анализ данных scRNA-Seq c учётом сплайсинга. Дмитрий Чудаков. РНИМУ им. Н.И. Пирогова
- Сравнение китайских и западных наборов реагентов для секвенирования экзома человека с традиционными от западных производителей. Вера Белова. РНИМУ им. Н.И. Пирогова
- Секвенирование экзома образцов эмбрионов человека, прошедших полногеномную амплификацию нового поколения. Алина Самитова. РНИМУ им. Н.И. Пирогова
- Как использовать первый российский стандарт генома человека Е701 в реальной практике? Дмитрий Коростин. РНИМУ им. Н.И. Пирогова

12:45 – 13:00 Кофе-брейк



Секция по проекту неонатального скрининга новорожденных «ЭКЗАМЕН» (Экзомный Клинически Значимый Анализ Мутаций Единичных Нуклеотидов)

13:00 - 14:00

- Функциональный анализ влияния на сплайсинг варианта с.713С>Т в гене МАРЗК1, ассоциированного с 46,ХҮ Нарушением формирования пола. Надежда Павлова. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова
- Применение NGS для диагностики моногенных заболеваний у девочек-подростков с нарушениями формирования и функционирования репродуктивной системы. Полина Цабай. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова
- Особенности анализа данных ХМА и высокопроизводительного секвенирования в пренатальный период: рекомендации по интерпретации. Дмитрий Масленников. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова
- Анализ CNV в экзомных данных. Маргарита Рогачева. НМИЦ АГП им. В.И. Кулакова



БОЛЬШОЙ ЗАЛ (А1) РНИМУ ИМ. Н.И. ПИРОГОВА

Применение высокопроизводительного секвенирования в клинической практике

15:00 - 16:15

- Фармакогеномный анализ данных полноэкзомного секвенирования. Анастасия Буянова. РНИМУ им. Н.И. Пирогова
- Молекулярно-генетическая диагностика в гематологии в эру геномной медицины: какой метод выбрать для описания молекулярного профиля острого миелоидного лейкоза. Гаськова М.В. ФГБУ НМИЦ ДГОИ им. Д. Рогачева
- Оптимизация пробоподготовки к single-cell RNA-Seq на примере эндокринных опухолей человека. Марина Уткина. НМИЦ эндокринологии МЗ РФ
- Дифференциальная диагностика муковисцидоза и первичных иммунодефицитов на примере когорты пациентов РДКБ. Ольга Паршина. РНИМУ им. Н.И. Пирогова
- Профилирование Т-клеточного репертуара у пациента с хронической цитомегаловирусной инфекцией. Сикамов К.В. ФНКЦ ФХМ им. Ю.М. Лопухина ФМБА России

16:15 – 16:45 У Кофе-брейк



Редактирование генома и генотерапия

16:45 - 17:45

- Редактирование генома животных, отличных от лабораторной мыши. Силаева Ю.Ю., ИБГ РАН
- Разработка новых геномных редакторов: искусственный интеллект vs человеческий разум и удача. Карпов Д.С., ИМБ РАН
- Оптимизация защитной генетической конструкции для генотерапии ВИЧ. Гамзик Д.Д., ИБГ РАН
- Оптимизация протокола получения защищенных от инфицирования ВИЧ первичных CD4+ лимфоцитов человека. Червякова Я.В., ИБГ РАН

ЗАЛ ЗАСЕДАНИЙ УЧЕНОГО СОВЕТА РНИМУ ИМ. Н.И. ПИРОГОВА

САТЕЛЛИТНЫЙ СИМПОЗИУМ компании Хеликон *helicon*

14:00 - 16:00 14.00 14.20

14.00 - 14.20	Алексей Аникаев. Компания Хеликон
14:20 - 14:40	Разработка платформы для прецизионной медицины на основе технологии MGI. Алексей Горбачев. Заведующий лабораторией протеомного анализа ФГБУ ФНКЦ ФХМ
	им. Ю.М. Лопухина ФМБА России
14.40 15.00	Handa nanasawa and and and and an analysis of Maria Maria and Maria and Maria National Control of the Maria and Mari

- 14:40 15:00 Новые возможности автоматизации и секвенирования от MGI: MGIFLP-L50 и DNBSEQ-T20×2. Наталья Воронова. Field Application Scientist, Russia&CIS, MGI Tech.
- 15:00 15:20 Рецепты автоматизации NGS лаборатории. Армен Амирбекян. Компания Хеликон
- 15:20 15:45 Перспективные решения для генной инженерии и геномного редактирования. Наталья Супрун. Компания Хеликон
- 15:45 16:00 Обсуждение и заключительное слово