

2018
NGS

Начало регистрации: 9.00

Начало конференции: 10.00

17 мая

ПРОГРАММА КОНФЕРЕНЦИИ

ПРОДОЛЖИТЕЛЬНОСТЬ ДОКЛАДА - 15 МИНУТ, ВОПРОСЫ - 5 МИНУТ

ngsconference.ru

Большой зал ИБХ РАН

10.00 - 11.10 Доклады разработчиков и поставщиков аппаратуры

Современные системы Thermo Fisher Scientific для высокопроизводительного генетического анализа.
Евгения Юдина, Thermo Fisher Scientific

Комплексные решения Roche для приготовления и обогащения библиотек в NGS
Мария Преснякова, Рош Диагностика Рус

Нанопоровое секвенирование Oxford Nanopore
Кристина Яковлева, Диаэм

Секвенирование генома *Cristatella mucedo*, опыт использования секвенатора MinION
Виктор Старунов, Санкт-Петербургский Государственный Университет

Новые возможности NGS: 10X - новый подход к решению научных задач.
Александр Мазур, Геноаналитика

11.10 - 11.30 ☕ Кофе-брейк

11.30 - 12.40 Применение высокопроизводительного секвенирования в медицинской практике

Towards detection of diagnostic microRNA biomarkers in biofluids and the functional analysis of long non-coding RNA using LNA technology
Michael Hansen, QIAGEN

Анализ мутационного статуса генов, участвующих в патогенезе колоректального рака, методом NGS
Екатерина Тельшева, Научный центр рентгенорадиологии Минздрава России

Использование высокопроизводительного секвенирования при оценке чувствительности к тамоксифену клеточных линий рака молочной железы MCF-7, MCF-7/M, MCF-7/T.
Вера Сафронова, НМИЦ онкологии им. Н.Н. Блохина Минздрава России

Результаты применения неинвазивных пренатальных тестов в клинической практике.
Валентина Гнетецкая, Российская медицинская академия непрерывного профессионального образования.

12.40 - 13.00 ☕ Кофе-брейк

13.00 - 14.20 Секвенирование геномов прокариот и метагеномное секвенирование

Геномный анализ некультивируемых микроорганизмов - представителей бактериальных филумов *Microgenomates* и BRC1
Виталий Кадников, Институт биоинженерии, ФИЦ Биотехнологии РАН.

Design of genus-specific primers panel for detection and identification of viral DNA in environmental samples using next-generation sequencing
Камиль Хафизов, Central Research Institute of Epidemiology

Chlamydia psittaci эпидемического генотипа 24. Условия для эволюции.
Наталья Шарапова, НИЦЭМ им. Н.Ф. Гамалеи Минздрава России

Секвенирование генома болотного планктомицета *Paludisphaera borealis* PX4 и анализ его гликолитического потенциала.
Даниил Наумов, Институт микробиологии им. С.Н.Виноградского РАН

2018 NGS

Начало регистрации: 9.00

Начало конференции: 10.00

17 мая

ПРОГРАММА КОНФЕРЕНЦИИ

ПРОДОЛЖИТЕЛЬНОСТЬ ДОКЛАДА - 15 МИНУТ, ВОПРОСЫ - 5 МИНУТ

ngsconference.ru

Большой зал ИБХ РАН

14.20 - 15.00  Обед

15.00 - 16.00 Секвенирование геномов и транскриптомов эукариот, стратегии анализа данных масштабного секвенирования для различных приложений

Analysis of local chromatin rearrangements during spermatogenesis in *Drosophila*

Маргарита Самборская, Faculty of Bioengineering and Bioinformatics, MSU

Zenome Platform - блокчейн-инфраструктура для хранения и обработки генетических данных
Николай Кулемин, Zenome.io LTD

Сравнение методов квантификации библиотек фрагментов ДНК перед целевым обогащением и секвенированием следующего поколения.

Анна Красненко, Генотек

16.00 - 16.20  Кофе-брейк

16.20 - 17.40 Системы редактирования генома и ферменты CRISPR/Cas

Структура, функции и использование CRISPR-Cas систем у лактобацилл

Елена Полуэктова, Институт общей генетики им.Н.И.Вавилова РАН

CRISPR-Cas системы *Mycobacterium tuberculosis*: структура модуля, возможная роль, изменение в процессе эволюции у различных линий

Марина Зайчикова, Институт общей генетики им.Н.И.Вавилова РАН

Phenotype and genotype characterization of Usher syndrome in Russian cohort for inclusion in gene therapy trial

Марианна Иванова, Oftalmic LLC

Оценка эффективности внесения делеции CCR5delta32 методом CRISPR/Cas9 в S-фазе зиготы человека.

Денис Ребриков, НМИЦ АГП им.В.И. Кулакова Минздрава России

Малый зал ИБХ РАН

14.00 - 15.00 Ежегодный круглый стол «Возможности использования клинико-диагностическими лабораториями изделий, не зарегистрированных как медицинские. Создание формата Laboratory Developed Tests (LDT) в России». Рассмотрение произошедшего за год, планы на следующий

15.00 - 18.00 Сателлитный симпозиум QIAGEN